

GENOTYPAGE DES TUMEURS SOLIDES

PATIENT	MÉDECIN PRESCRIPTEUR RÉFÉRENT
Nom :	Nom :
Prénom :	Prénom :
Nom de naissance :	Adresse e-mail :
Sexe : <input type="checkbox"/>	N° RPPS :
Adresse :	
CP : Ville :	
Date de naissance : <input type="text"/> / <input type="text"/> / <input type="text"/>	
N° sécurité sociale : <input type="text"/>	
NB : en l'absence de N° SS, les analyses en B seront facturées à l'établissement de soin	
N° portable : <input type="text"/>	

MEDECIN PRESCRIPTEUR
Cachet et signature obligatoires



Le patient doit avoir été informé que l'analyse est susceptible de révéler des caractéristiques génétiques constitutionnelles pouvant être responsables d'une affection grave justifiant des mesures de prévention, de conseil génétique ou de soins pour lui-même ou les membres de sa famille. Une attestation d'information doit être conservée dans le dossier médical

(Article R.1131-4-2 du code de la santé publique)

RENSEIGNEMENTS OBLIGATOIRES

SELON LA NATURE DU PRELEVEMENT :

TISSU TUMORAL FFPE	ADN CIRCULANT (BIOPSIE LIQUIDE)
Date de prélèvement : <input type="text"/> / <input type="text"/> / <input type="text"/>	Date de prélèvement : <input type="text"/> / <input type="text"/> / <input type="text"/>
Contexte clinique : <input type="checkbox"/> Diagnostic <input type="checkbox"/> Progression sous thérapie ciblée - Traitement : - Altérations identifiées au diagnostic :	Contexte clinique : <input type="checkbox"/> Diagnostic <input type="checkbox"/> Progression sous thérapie ciblée - Traitement : - Altérations identifiées au diagnostic :
PATHOLOGISTE CORRESPONDANT Cachet et signature obligatoires	Nature du liquide : <input type="checkbox"/> Sang <input type="checkbox"/> Liquide pleural <input type="checkbox"/> LCR <input type="checkbox"/> Autre :
N° bloc :	
OBLIGATOIRE : Joindre une copie du compte rendu d'examen anatomopathologique	
OBLIGATOIRE : Pourcentage de cellules malignes : <input type="text"/> %	
Nature du matériel : <input type="checkbox"/> Copeaux <input type="checkbox"/> Bloc FFPE	
Site anatomique :	
Etat tumoral : <input type="checkbox"/> Tumeur primitive <input type="checkbox"/> Métastase	
Mode de prélèvement : <input type="checkbox"/> Pièce opératoire <input type="checkbox"/> Biopsie <input type="checkbox"/> Cytoponction	

GENOTYPAGE DES TUMEURS SOLIDES

<input type="checkbox"/> Recherche de mutations (NGS ADN) <p>Panel de 42 gènes : AKT1, ALK, ATRX, BRAF, CDK4, CDK6, CDKN2A, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FOXL2, GNA11, GNAQ, GNAS, H3C2, H3C3, H3F3A, H3F3B, HRAS, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KRAS, MAP2K1, MET, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, POLD1, POLE, PTEN, RET, ROS1, SMARCA4, STK11, TERT, TP53</p> <p>+ BRCA1 et BRCA2 (ovaire, prostate, sein, pancréas uniquement) + score HRD (ovaire uniquement) + principales fusions de ALK, ROS1, RET (ADN circulant uniquement)</p> <p>Tissu tumoral : 1 tube de 5 copeaux à 5 µm ou bloc FFPE ADN circulant : 2 tubes STRECK</p> <p>Cotation → selon indication :</p> <table border="1"> <tr><td>Colorectal</td><td>NABM B1475 + B813</td></tr> <tr><td>Ovaire</td><td>NABM B8120</td></tr> <tr><td>GIST</td><td>RIHN N508</td></tr> <tr><td>Prostate, sein, pancréas</td><td>RIHN N453</td></tr> <tr><td>Autres indications</td><td>RIHN N452</td></tr> </table>	Colorectal	NABM B1475 + B813	Ovaire	NABM B8120	GIST	RIHN N508	Prostate, sein, pancréas	RIHN N453	Autres indications	RIHN N452	Type de cancer : <table border="1"> <tr><td><input type="checkbox"/> Poumon</td><td>OSPOU</td></tr> <tr><td>↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq +/- EGFR rapide si urgence</td><td></td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Colorectal</td><td>OSKNB</td></tr> <tr><td>↳ Recommandé : NGS ADN + MSI</td><td></td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Carcinome œsogastrique</td><td>OSGAS</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> GIST</td><td>OSKPD</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Voies biliaires</td><td>OSCHO</td></tr> <tr><td>↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq</td><td></td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Pancréas</td><td>OSPAN</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Ovaire</td><td>OSHRD</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Endomètre</td><td>OSPOL</td></tr> <tr><td>↳ Recommandé : NGS ADN + MSI</td><td></td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Sein</td><td>OSMAM</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Prostate</td><td>OSPRO</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Voies urinaires / vessie</td><td>OSURO</td></tr> <tr><td>↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq</td><td></td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Thyroïde</td><td>OSTYR</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Mélanome</td><td>OSMEL</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Tumeur cérébrale</td><td>OSNEU</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Primitif inconnu / autre</td><td>OSFL2</td></tr> </table>	<input type="checkbox"/> Poumon	OSPOU	↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq +/- EGFR rapide si urgence		<input type="checkbox"/> Colorectal	OSKNB	↳ Recommandé : NGS ADN + MSI		<input type="checkbox"/> Carcinome œsogastrique	OSGAS	<input type="checkbox"/> GIST	OSKPD	<input type="checkbox"/> Voies biliaires	OSCHO	↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq		<input type="checkbox"/> Pancréas	OSPAN	<input type="checkbox"/> Ovaire	OSHRD	<input type="checkbox"/> Endomètre	OSPOL	↳ Recommandé : NGS ADN + MSI		<input type="checkbox"/> Sein	OSMAM	<input type="checkbox"/> Prostate	OSPRO	<input type="checkbox"/> Voies urinaires / vessie	OSURO	↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq		<input type="checkbox"/> Thyroïde	OSTYR	<input type="checkbox"/> Mélanome	OSMEL	<input type="checkbox"/> Tumeur cérébrale	OSNEU	<input type="checkbox"/> Primitif inconnu / autre	OSFL2
Colorectal	NABM B1475 + B813																																																		
Ovaire	NABM B8120																																																		
GIST	RIHN N508																																																		
Prostate, sein, pancréas	RIHN N453																																																		
Autres indications	RIHN N452																																																		
<input type="checkbox"/> Poumon	OSPOU																																																		
↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq +/- EGFR rapide si urgence																																																			
<input type="checkbox"/> Colorectal	OSKNB																																																		
↳ Recommandé : NGS ADN + MSI																																																			
<input type="checkbox"/> Carcinome œsogastrique	OSGAS																																																		
<input type="checkbox"/> GIST	OSKPD																																																		
<input type="checkbox"/> Voies biliaires	OSCHO																																																		
↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq																																																			
<input type="checkbox"/> Pancréas	OSPAN																																																		
<input type="checkbox"/> Ovaire	OSHRD																																																		
<input type="checkbox"/> Endomètre	OSPOL																																																		
↳ Recommandé : NGS ADN + MSI																																																			
<input type="checkbox"/> Sein	OSMAM																																																		
<input type="checkbox"/> Prostate	OSPRO																																																		
<input type="checkbox"/> Voies urinaires / vessie	OSURO																																																		
↳ Recommandé : NGS ADN + RNAseq																																																			
<input type="checkbox"/> Thyroïde	OSTYR																																																		
<input type="checkbox"/> Mélanome	OSMEL																																																		
<input type="checkbox"/> Tumeur cérébrale	OSNEU																																																		
<input type="checkbox"/> Primitif inconnu / autre	OSFL2																																																		
<input type="checkbox"/> Recherche de fusions et anomalies d'épissage (RNAseq) OSRNA <p>Panel de 18 gènes : ALK, BRAF, EGFR, ERBB2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MAML2, MET, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PIK3CA, PPARG, RET, ROS1</p>	<p>Tissu uniquement : 1 tube de 5 copeaux à 5 µm ou bloc FFPE</p> <p>Cotation : RIHN N452</p>																																																		
<input type="checkbox"/> Recherche de grands réarrangements chromosomiques OSWGS <p>Génome entier, dont : Co-délétion 1p/19q, gain du chr7, perte du chr10, délétion de <i>CDKN2A</i></p>	<p>Tissu uniquement : 1 tube de 5 copeaux à 5 µm ou bloc FFPE (sauf demande NGS ADN associée)</p> <p>Cotation : RIHN N452</p>																																																		
<input type="checkbox"/> EGFR, recherche ciblée rapide des principales mutations EGFRA	<p>Tissu tumoral : 1 tube de 1 copeau à 5 µm ou bloc FFPE ADN circulant : 2 tubes STRECK</p> <p>Cotation : NABM B950</p>																																																		
<input type="checkbox"/> BRAF, recherche ciblée de la mutation V600E BRAVE	<p>Tissu uniquement : 1 tube de 5 copeaux à 5 µm ou bloc FFPE</p> <p>Cotation : NABM B1475</p>																																																		
<input type="checkbox"/> Statut MSI MSI	<p>Tissu uniquement : 1 tube de 5 copeaux à 5 µm ou bloc FFPE</p>																																																		
<input type="checkbox"/> MLH1, méthylation du promoteur MEMLH	<p>Cotation : RIHN N500 / N533</p>																																																		
<input type="checkbox"/> MGMT, méthylation du promoteur MGMT	<p>Tissu uniquement : 1 tube de 5 copeaux à 5 µm ou bloc FFPE</p> <p>Cotation : RIHN N532</p>																																																		
<input type="checkbox"/> Test Endopredict ENDOP <p>Renseignements obligatoires : - Taille de la tumeur (mm) : - Nombre de ganglions <u>envahis</u> :</p>	<p>Tissu uniquement : 2 tubes de 1 copeau à 10 µm ou bloc FFPE</p> <p>Cotation : RIHN N537</p>																																																		
<input type="checkbox"/> FISH <table border="1"> <tr><td><input type="checkbox"/> ALK (fusion)</td><td>ALKFI</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> MET (amplification)</td><td>FITOH</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> HER2 (amplification)</td><td>FSEIN (sein) / FITOH</td></tr> <tr><td><input type="checkbox"/> Autre :</td><td>FITOH</td></tr> </table>	<input type="checkbox"/> ALK (fusion)	ALKFI	<input type="checkbox"/> MET (amplification)	FITOH	<input type="checkbox"/> HER2 (amplification)	FSEIN (sein) / FITOH	<input type="checkbox"/> Autre :	FITOH	<p>Tissu uniquement : 3 lames silanisées à 3 µm / cible ou bloc FFPE</p> <p>Cotation : NABM B500 (HER2, sein) NABM B1000 (autres FISH)</p>																																										
<input type="checkbox"/> ALK (fusion)	ALKFI																																																		
<input type="checkbox"/> MET (amplification)	FITOH																																																		
<input type="checkbox"/> HER2 (amplification)	FSEIN (sein) / FITOH																																																		
<input type="checkbox"/> Autre :	FITOH																																																		